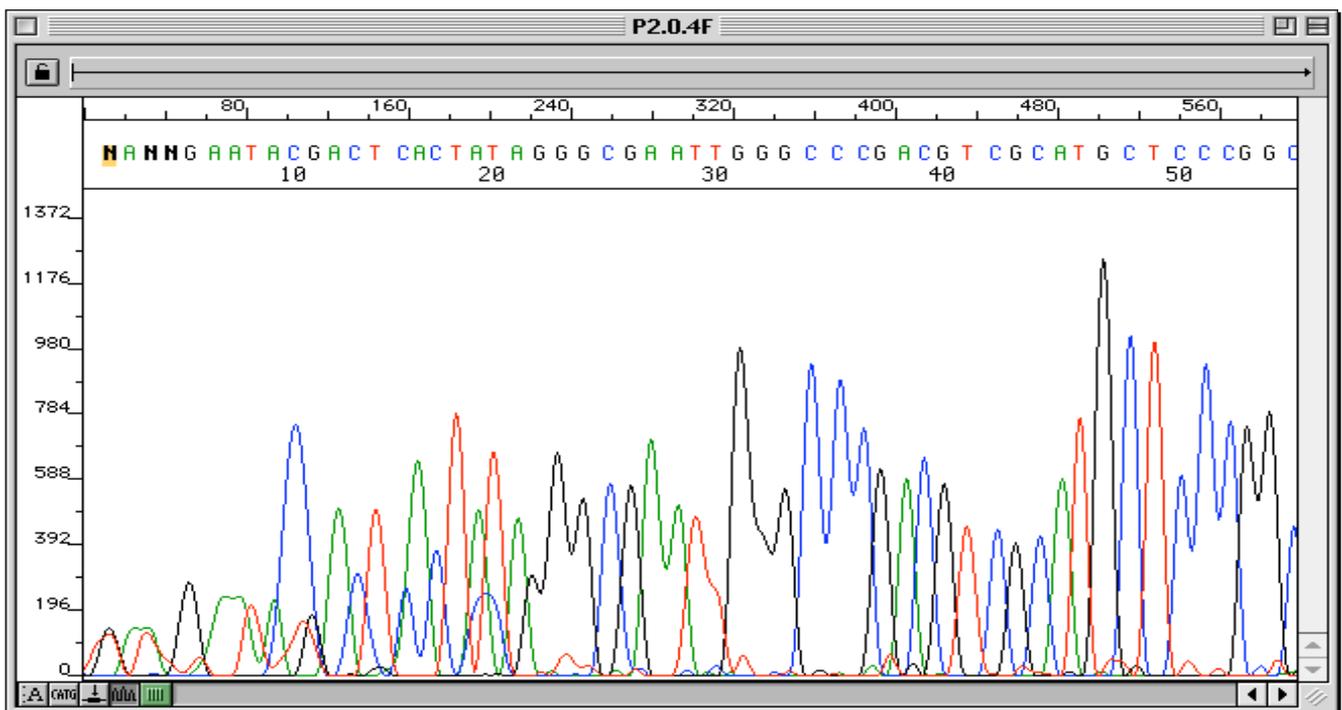
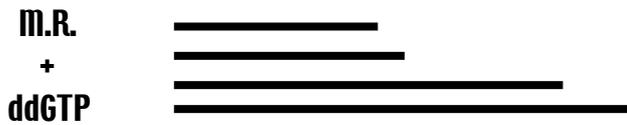


5' - ACCACTGGA ACTGCGA - 3'



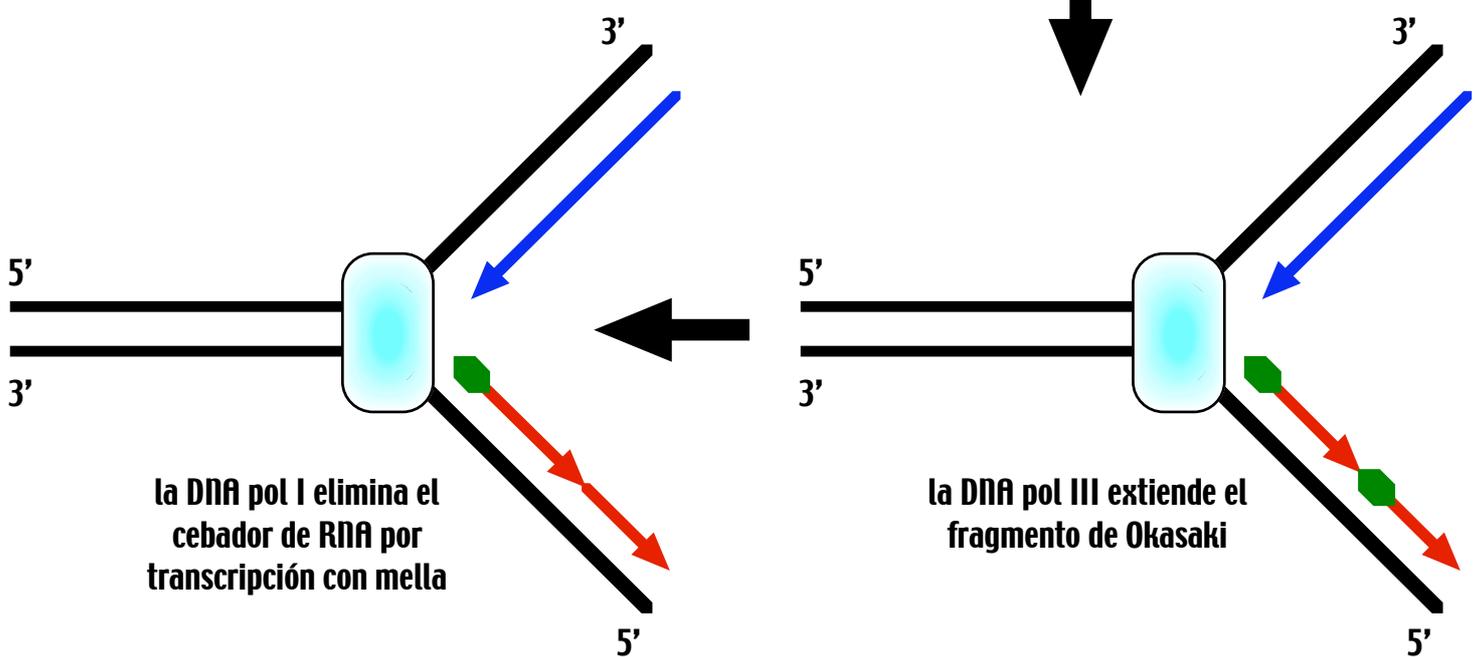
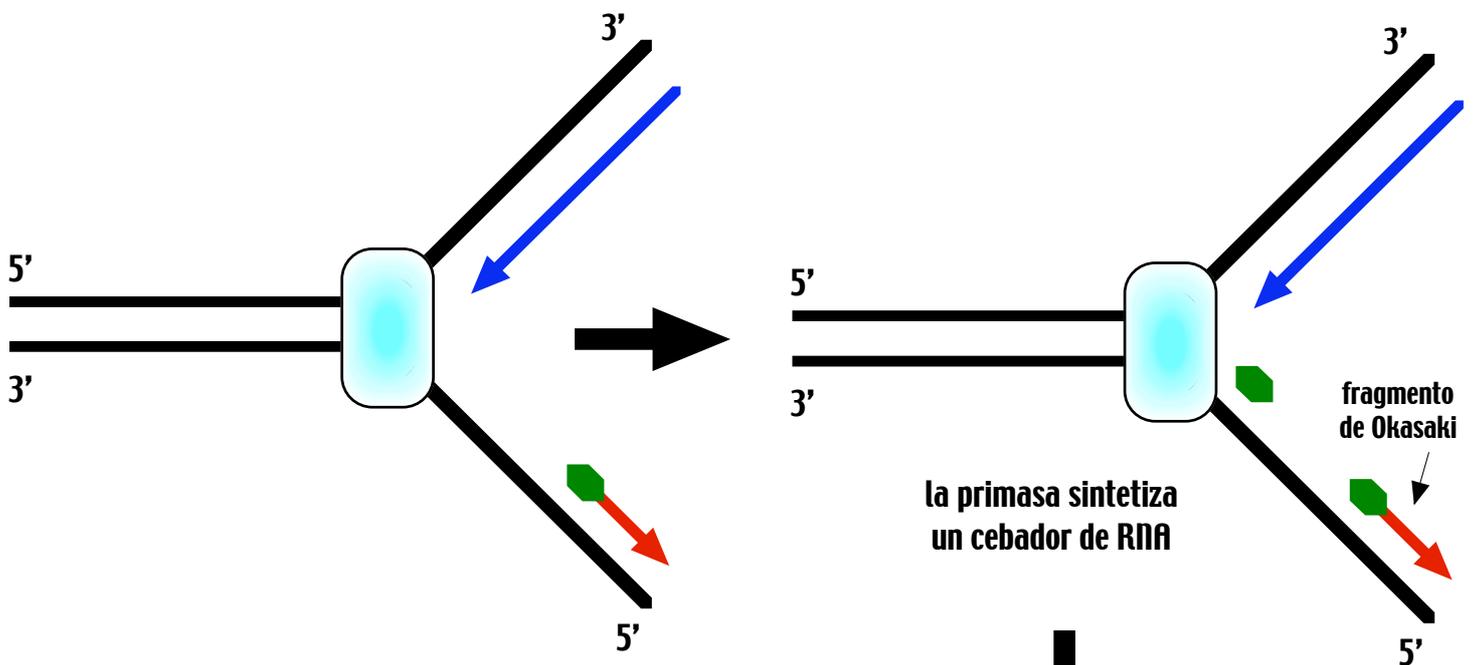
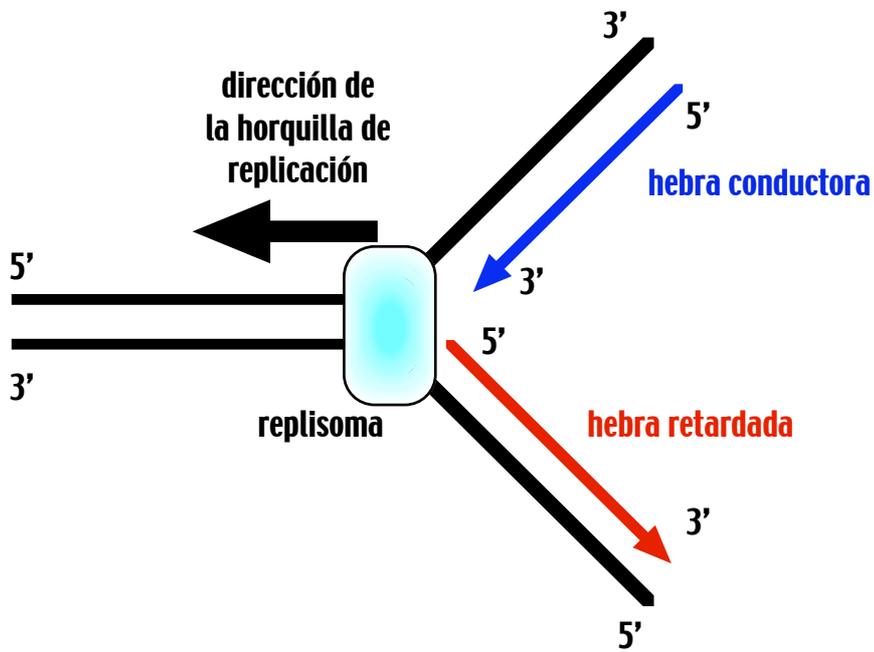
# El código genético

## Segunda posición

Primera posición (extremo 5')

	<b>U</b>		<b>C</b>		<b>A</b>		<b>G</b>		
<b>U</b>	UUU	<b>Phe</b>	UCU	<b>Ser</b>	UAU	<b>Tyr</b>	UGU	<b>Cys</b>	<b>U</b>
	UUC		UCC		UAC		UGC		<b>C</b>
	UUA	<b>Leu</b>	UCA		UAA	<b>STOP</b>	UGA	<b>STOP</b>	<b>A</b>
	UUG		UCG		UAG		UGG	<b>Trp</b>	<b>G</b>
<b>C</b>	CUU	<b>Leu</b>	CCU	<b>Pro</b>	CAU	<b>His</b>	CGU	<b>Arg</b>	<b>U</b>
	CUC		CCC		CAC		CGC		<b>C</b>
	CUA		CCA		CAA	<b>Gln</b>	CGA		<b>A</b>
	CUG		CCG		CAG		CGG		<b>G</b>
<b>A</b>	AUU	<b>Ile</b>	ACU	<b>Thr</b>	AAU	<b>Asn</b>	AGU	<b>Ser</b>	<b>U</b>
	AUC		ACC		AAC		AGC		<b>C</b>
	AUA		ACA		AAA	<b>Lys</b>	AGA	<b>Arg</b>	<b>A</b>
	AUG	<b>Met</b>	ACG		AAG		AGG		<b>G</b>
<b>G</b>	GUU	<b>Val</b>	GCU	<b>Ala</b>	GAU	<b>Asp</b>	GGU	<b>Gly</b>	<b>U</b>
	GUC		GCC		GAC		GGC		<b>C</b>
	GUA		GCA		GAA	<b>Glu</b>	GGA		<b>A</b>
	GUG		GCG		GAG		GGG		<b>G</b>

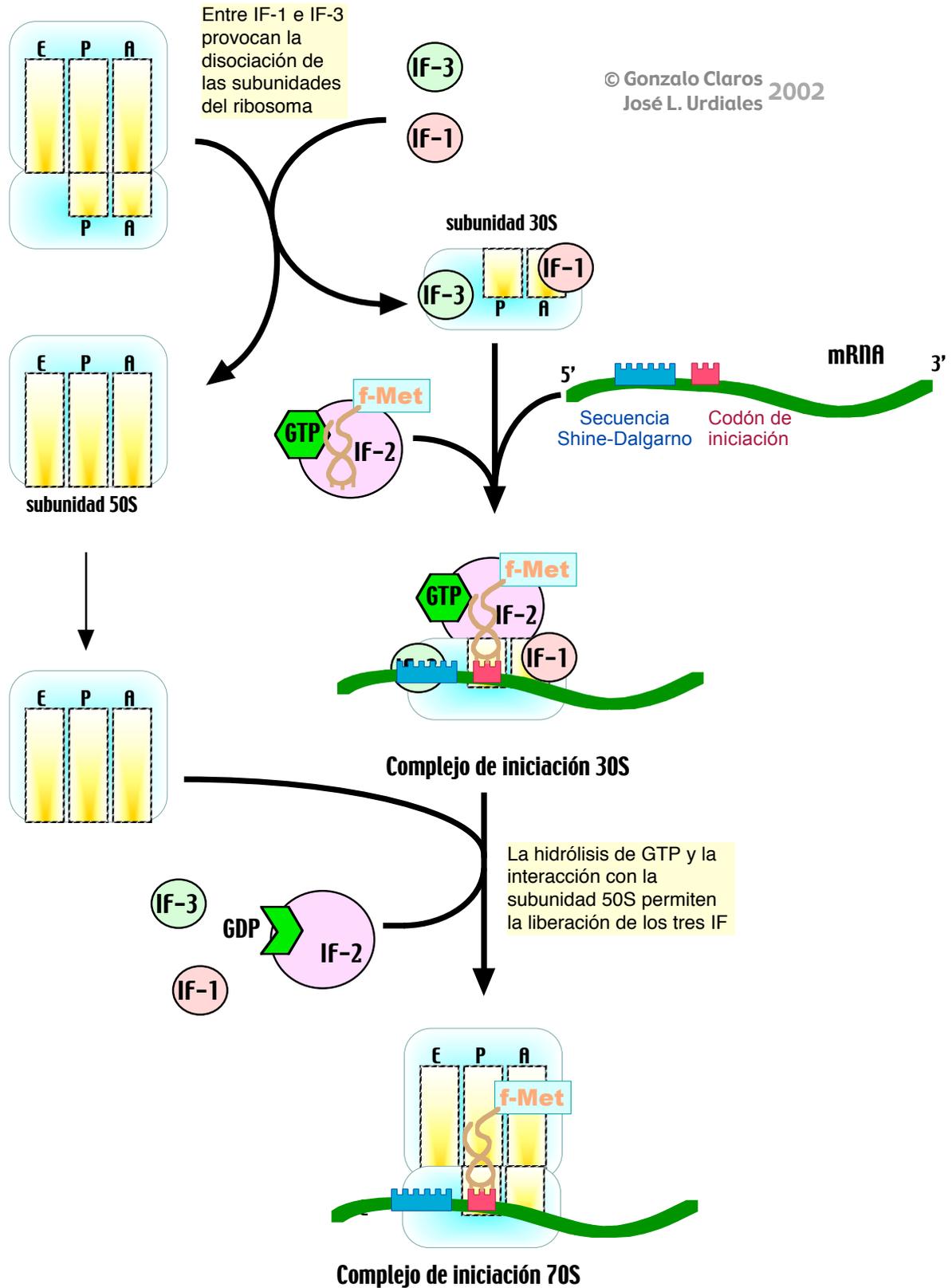
Tercera posición (extremo 3')



**la DNA pol I elimina el cebador de RNA por transcripción con mella**

# Biosíntesis de proteínas.

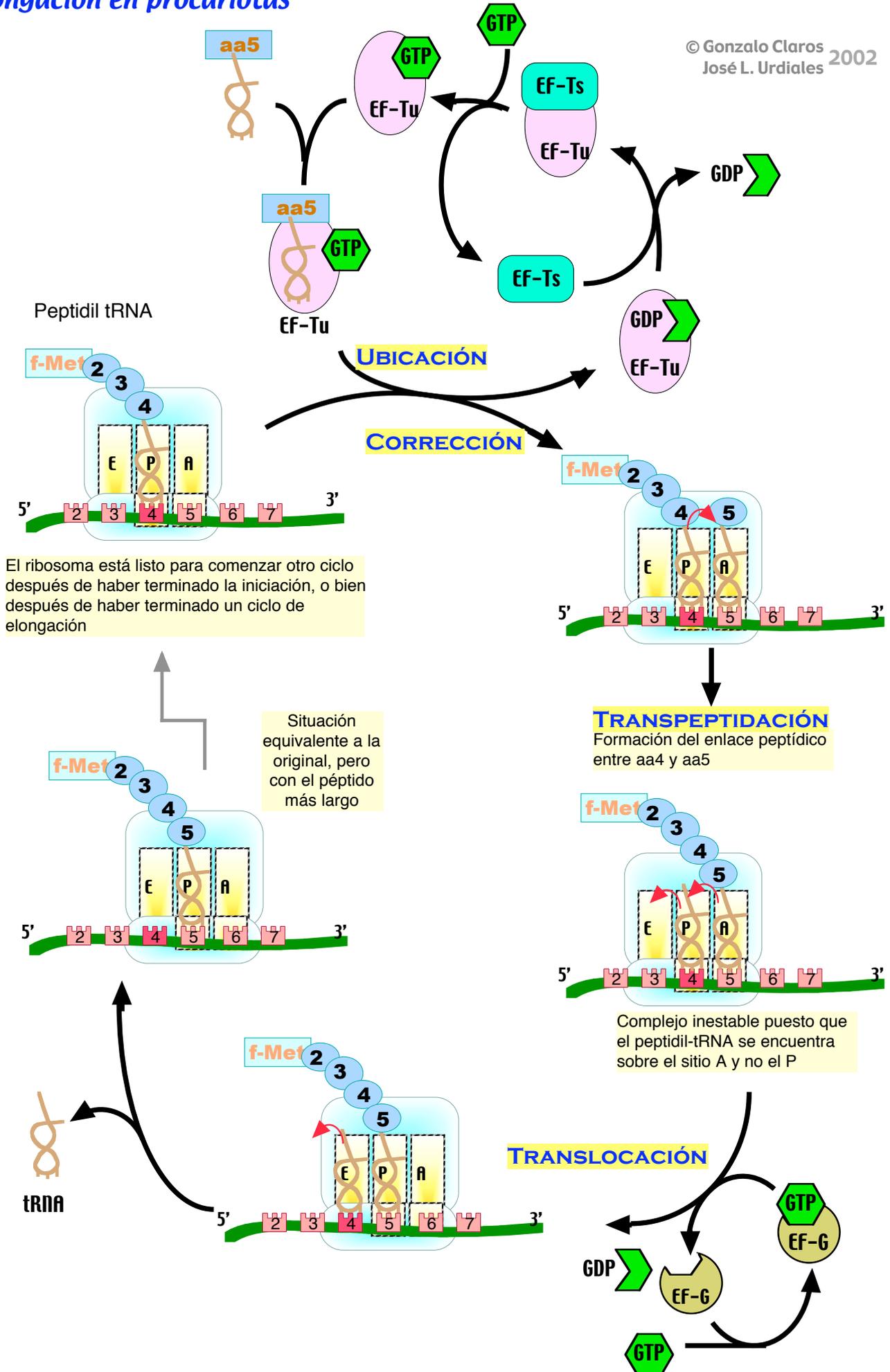
## Iniciación en procariontas



# Biosíntesis de proteínas.

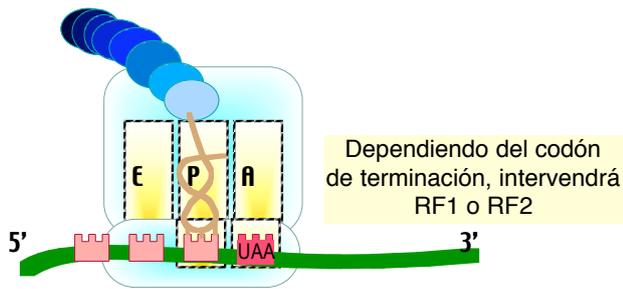
## Elongación en procariontas

© Gonzalo Claros  
José L. Urdiales 2002



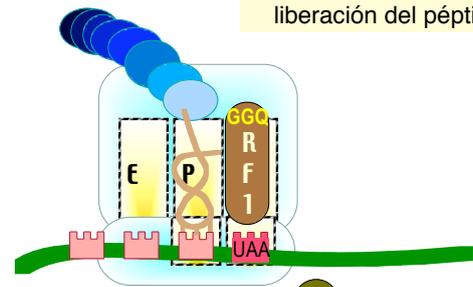
# Biosíntesis de proteínas. Terminación en procariontas

© Gonzalo Claros  
José L. Urdiales 2002



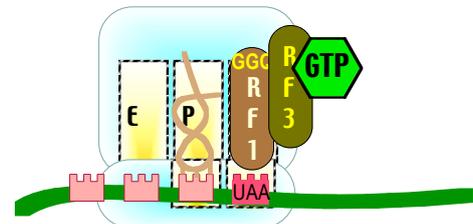
GGC  
R  
F  
1

RF1 o RF2 provocan la liberación del péptido



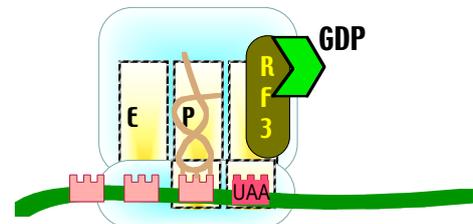
R  
F  
3  
GTP

La hidrólisis de GTP provoca la liberación de RF1 o RF2



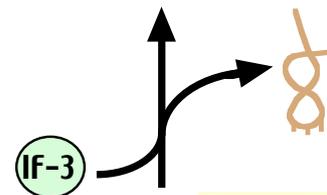
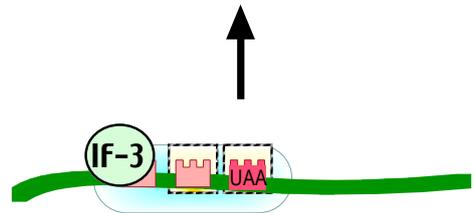
GGC  
R  
F  
1

La hidrólisis de GTP provoca la liberación de RF1 o RF2. RF3 ocupa el sitio A



**RECICLAJE DEL RIBOSOMA**

Complejo pre-30S listo para comenzar otra iniciación



Este complejo es lento de disociar. Para acelerarlo se necesita IF-3

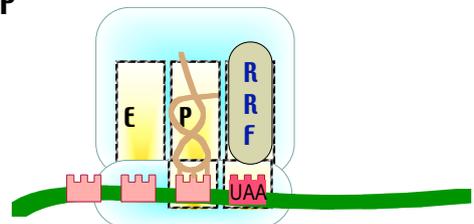


GDP

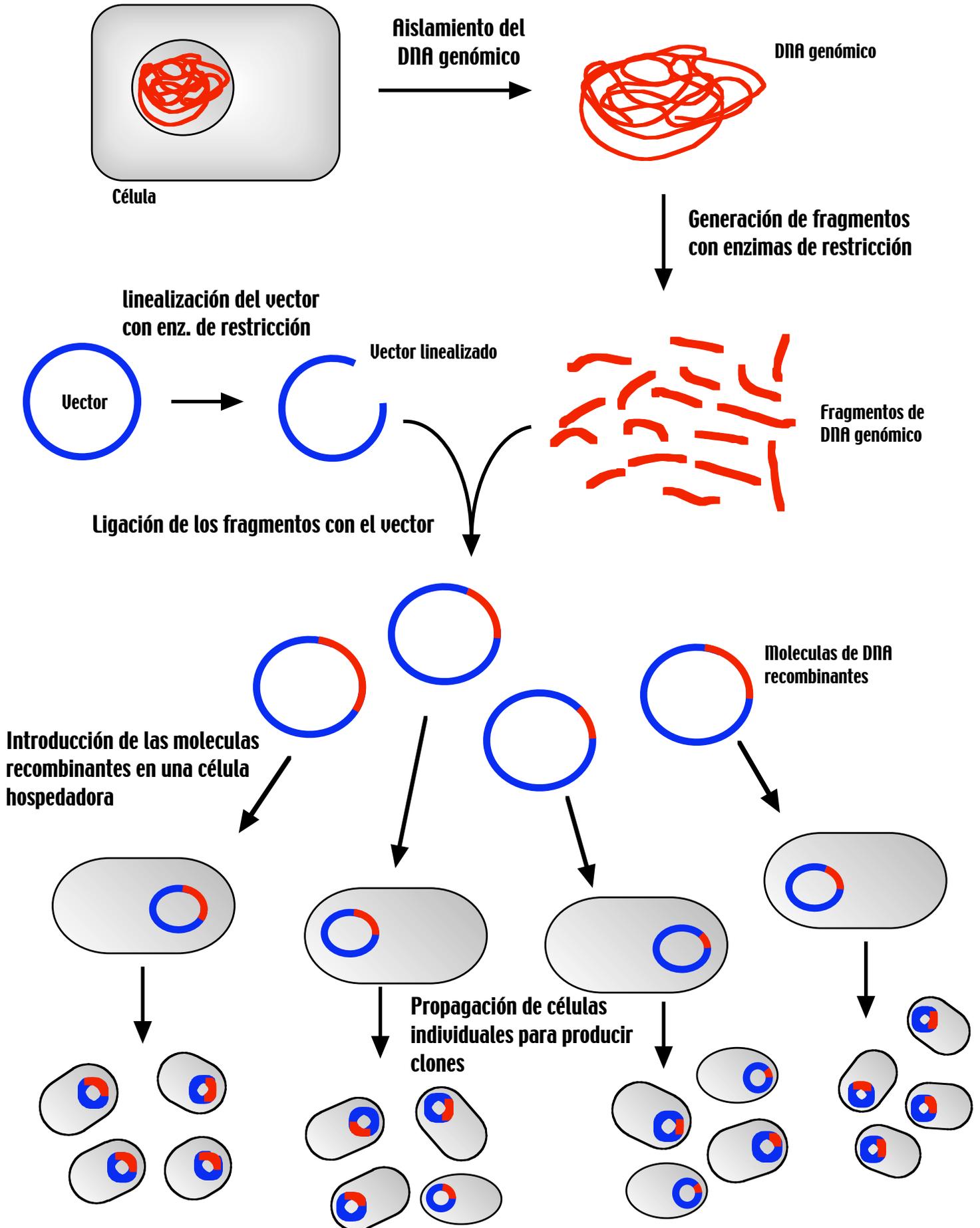
EF-G

GTP  
EF-G

R  
R  
F



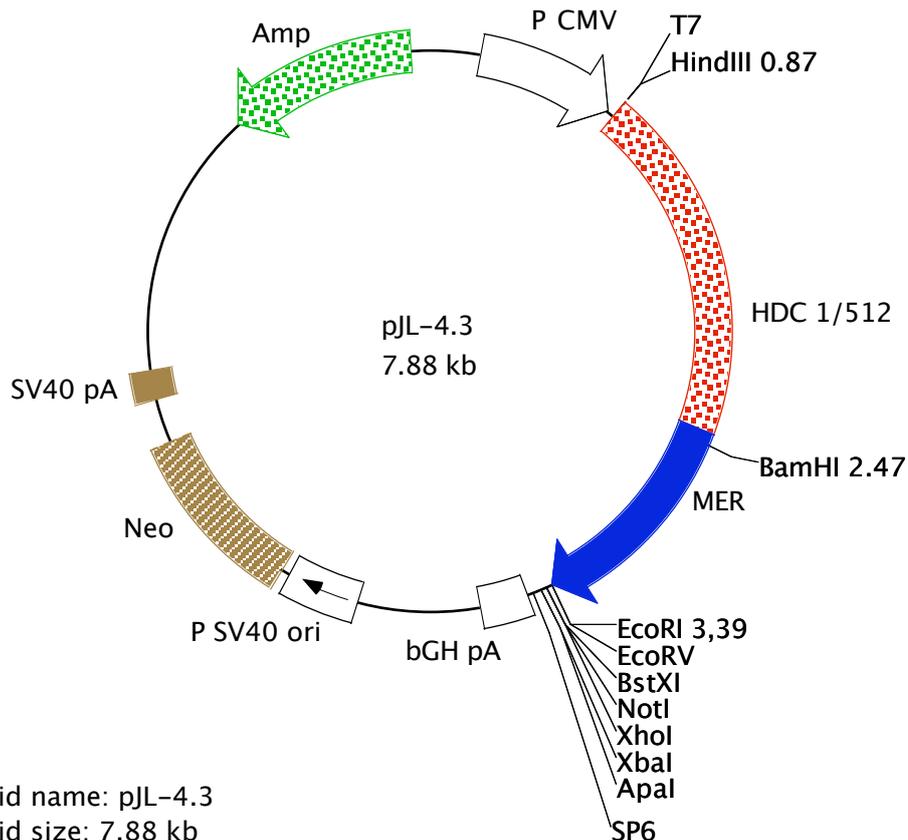
# Principales pasos en la generación de moléculas de DNA recombinante



## Las enzimas de restricción

Secuencias específicas de reconocimiento de algunas enzimas de restricción

Fuente	Enzima	Secuencia
<i>Acetobacter pasterianus</i>	ApaI	GGGCC'C
<i>Bacillus amyloliquefaciens H</i>	BamHI	G'GATCC
<i>Escherichia coli RY13</i>	EcoRI	G'AATTC
<i>Escherichia coli R245</i>	EcoRII	'CCTGG
<i>Haemophilus aegyptius</i>	HaeIII	GG'CC
<i>Haemophilus influenzae R<sub>d</sub></i>	HindIII	A'AGCTT
<i>Haemophilus parainfluenzae</i>	HpaII	C'CGG
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	KpnI	GGTAC'C
<i>Providencia stuartii 164</i>	PstI	CTGCA'G
<i>Xanthomonas badrii</i>	XbaI	T'CTAGA
<i>Xanthomonas holcicola</i>	XhoI	C'TCGAG



Plasmid name: pJL-4.3

Plasmid size: 7.88 kb

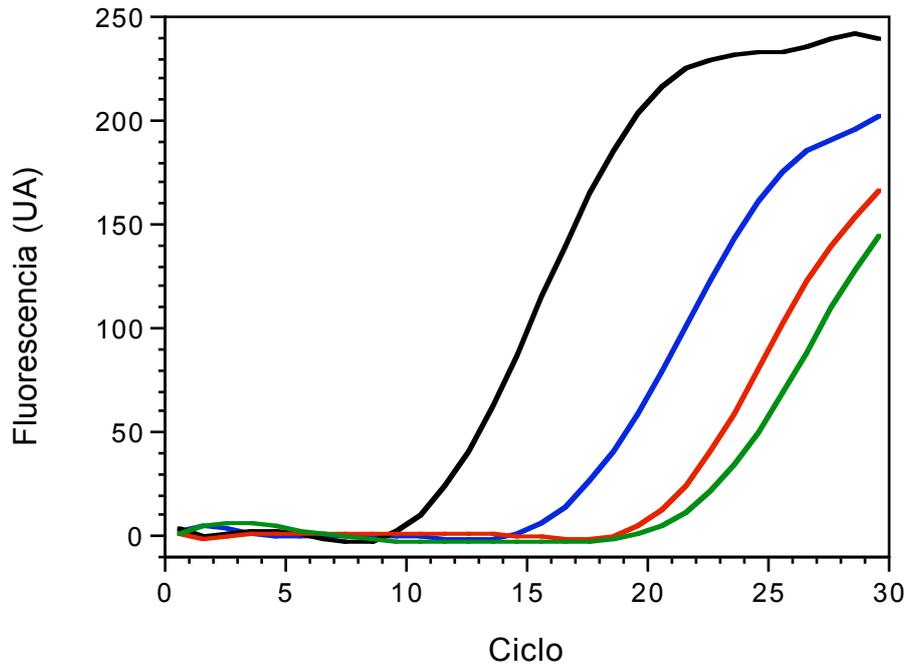
Constructed by: José Luis

Construction date: Febrero 98

Comments: HDC 1/512 fusionada al dominio de unión al ligando del receptor de estrógenos modificado (mutación de la Gly - 525 a Arg). Clonado en HindIII-EcoRI.

# PCR en tiempo real

## Curvas de amplificación



## Curva de desnaturalización

