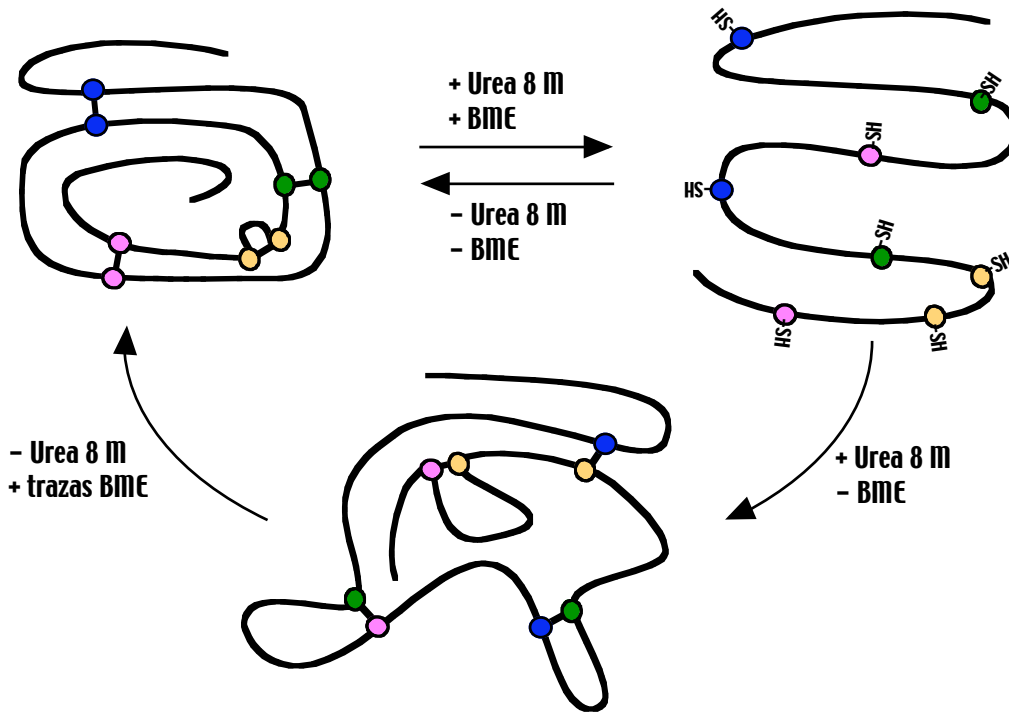
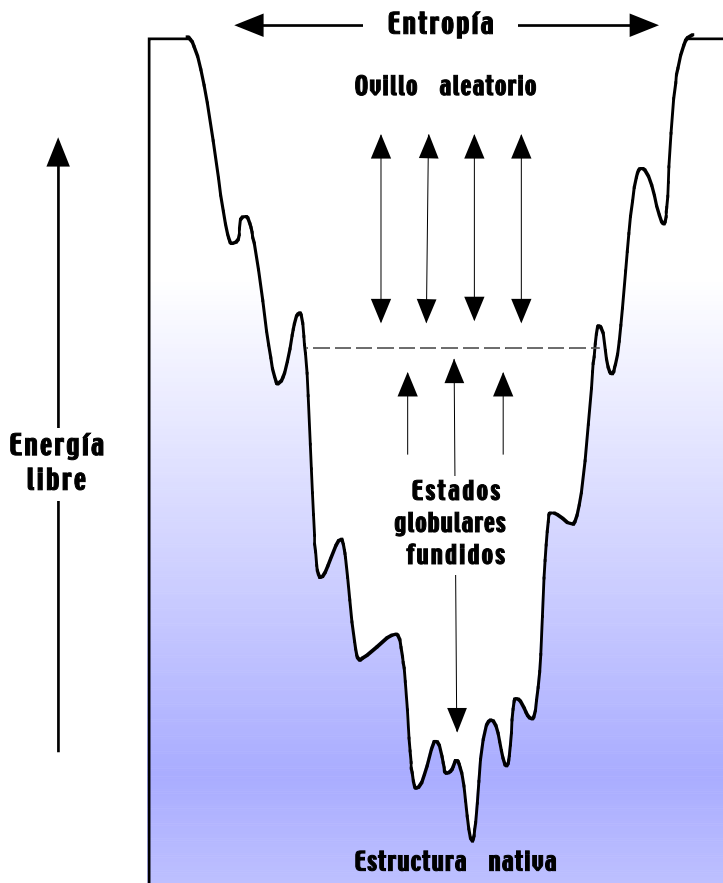
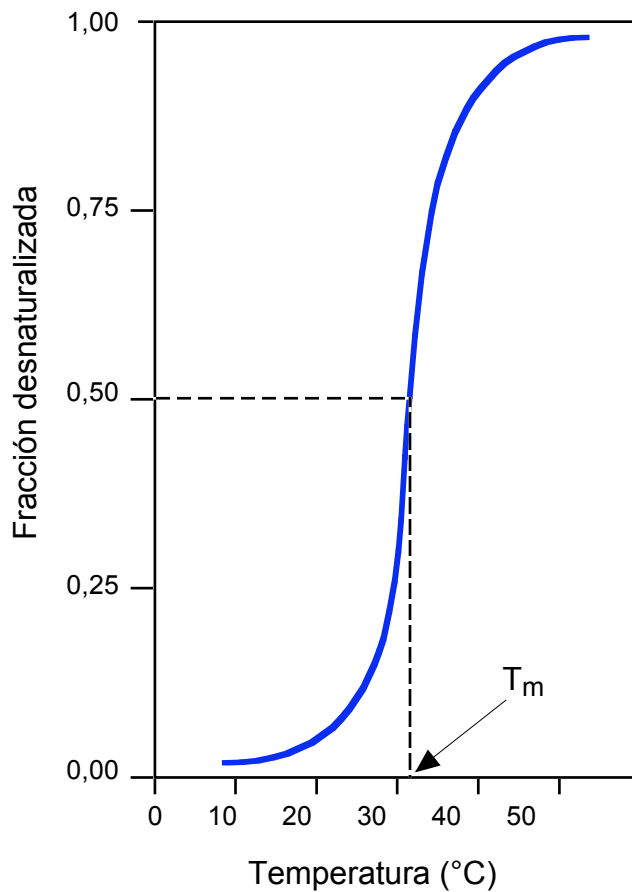


# Reducción y desnaturalización de la ribonucleasa A



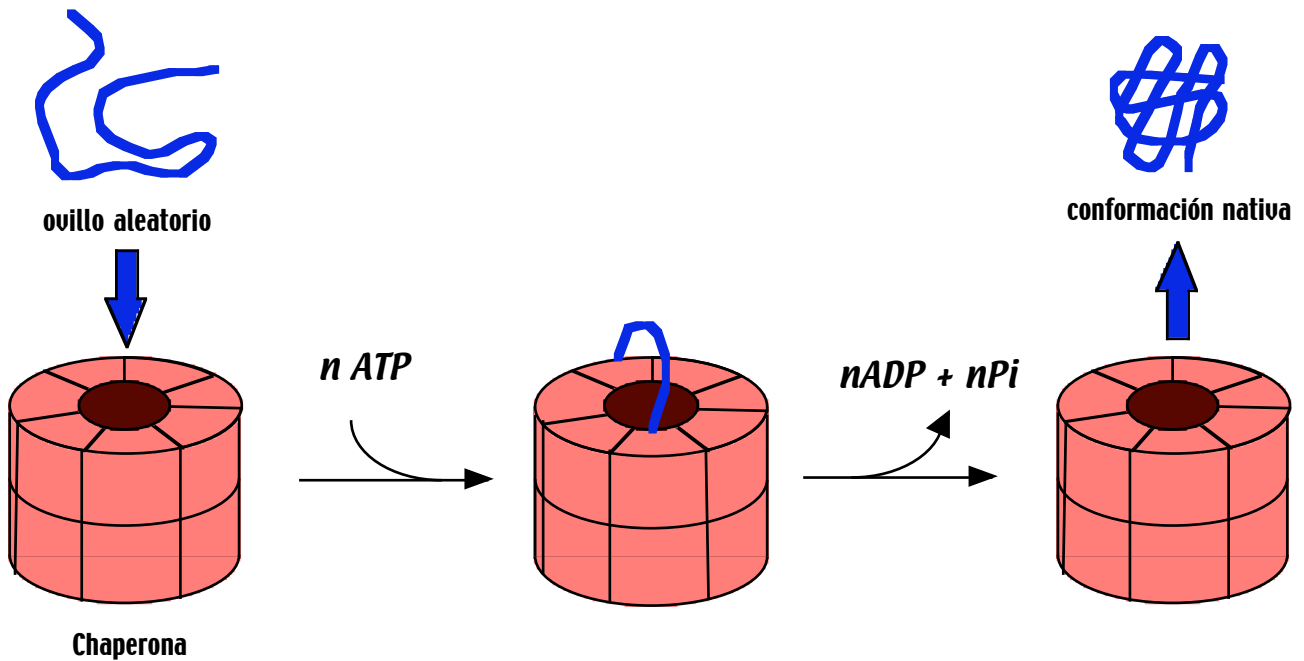
# Termodinámica del plegado proteico



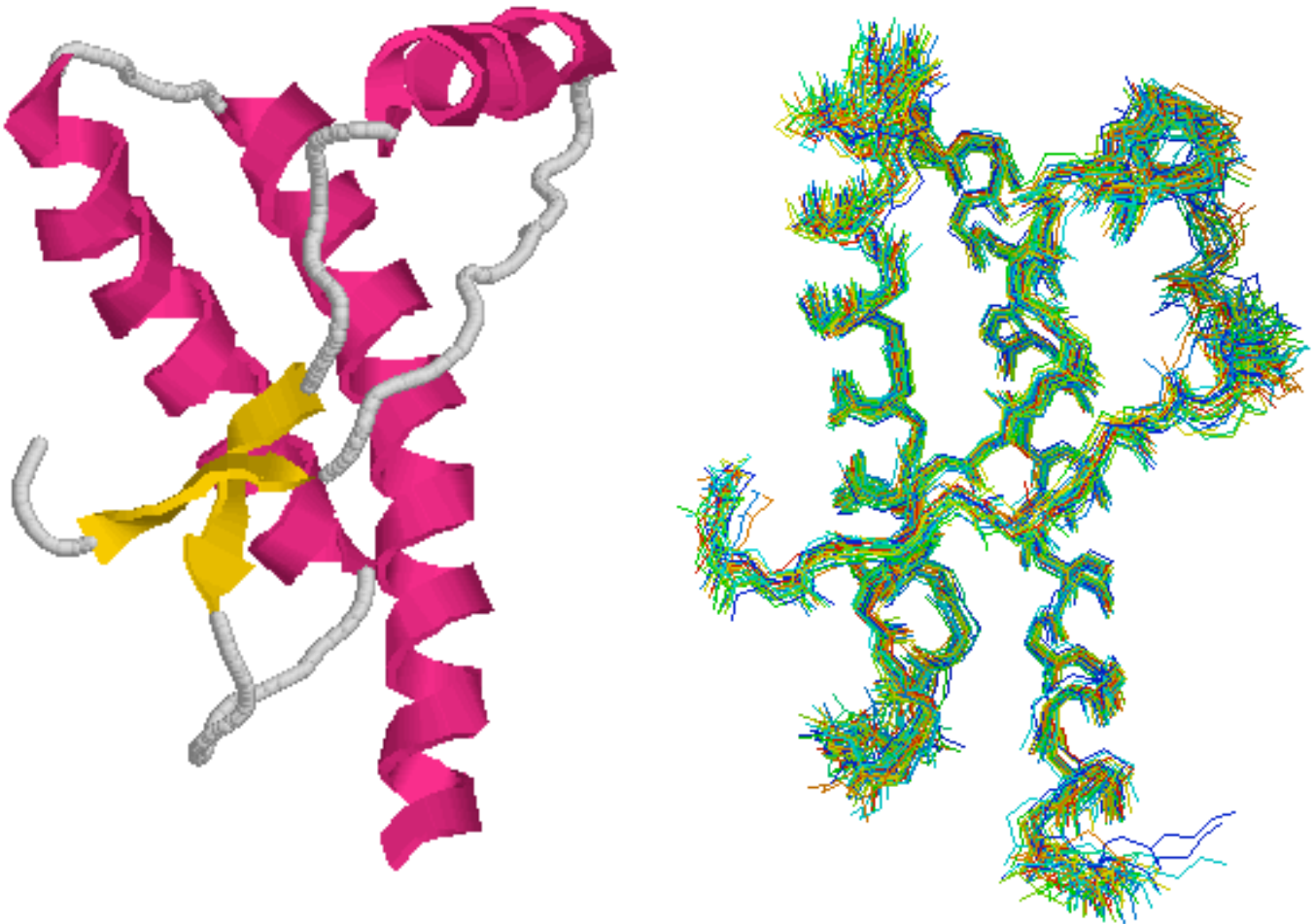


Frecuencias relativas de los residuos de aminoácido en estructuras secundarias				
Aminoácido	Hélice $\alpha$	Hoja $\beta$	Giro	
Ala	1,29	0,90	0,78	Preferencia por hélices $\alpha$
Cys	1,11	0,74	0,80	
Leu	1,30	1,02	0,59	
Met	1,47	0,97	0,39	
Glu	1,44	0,75	1,00	
Gln	1,27	0,80	0,97	
His	1,22	1,08	0,69	
Lys	1,23	0,77	0,96	
Val	0,91	1,49	0,47	Preferencia por hojas $\beta$
Ile	0,97	1,45	0,51	
Phe	1,07	1,32	0,58	
Tyr	0,72	1,25	1,05	
Trp	0,99	1,14	0,75	
Thr	0,82	1,21	1,03	
Gly	0,56	0,92	1,64	Preferencia por giros
Ser	0,82	0,95	1,33	
Asp	1,04	0,72	1,41	
Asn	0,90	0,76	1,28	
Pro	0,52	0,64	1,91	
Arg	0,96	0,99	0,88	

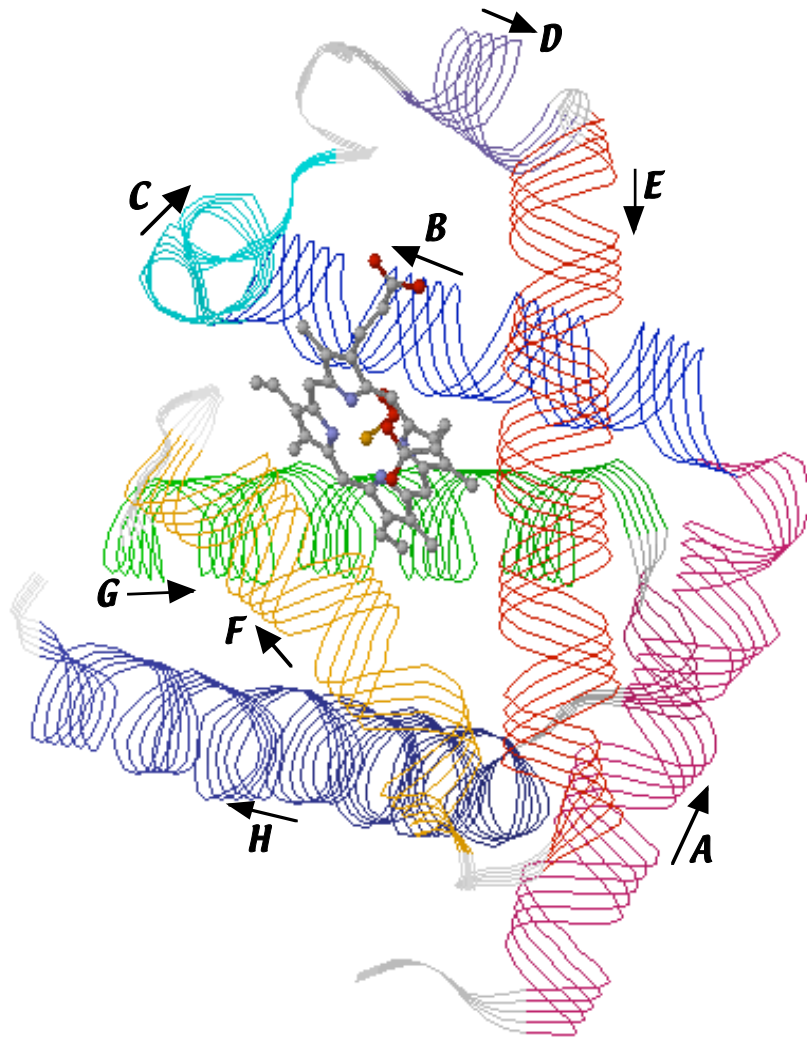
# Las chaperonas facilitan el plegado de las proteínas



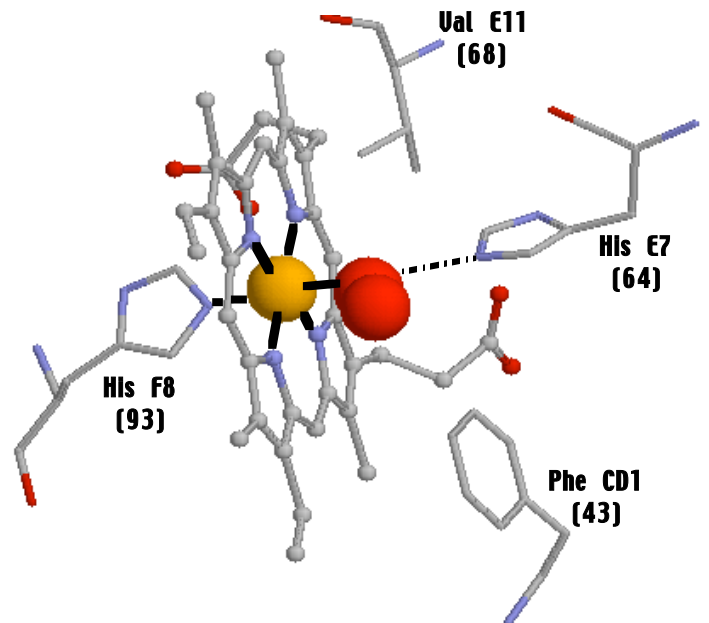
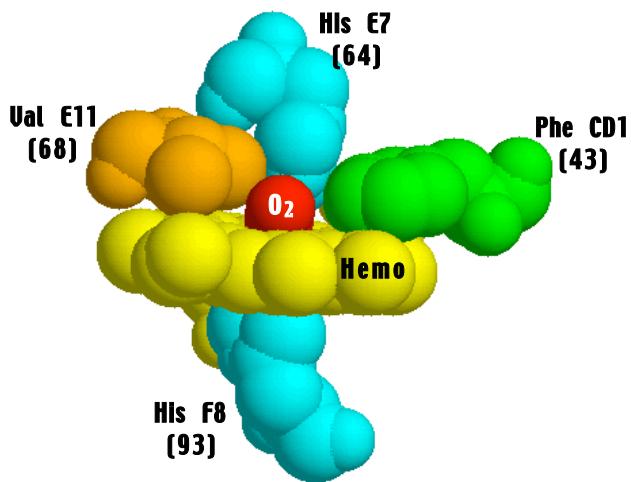
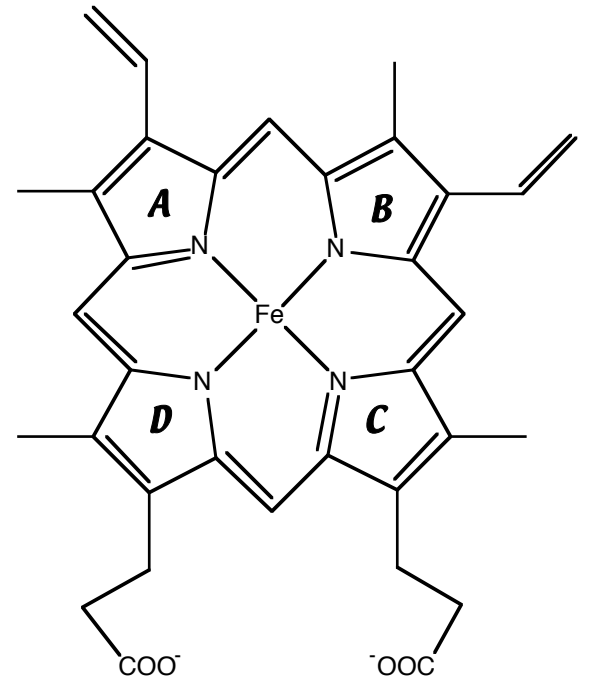
## Dinámica de la estructura proteica



# Estructura de la mioglobina

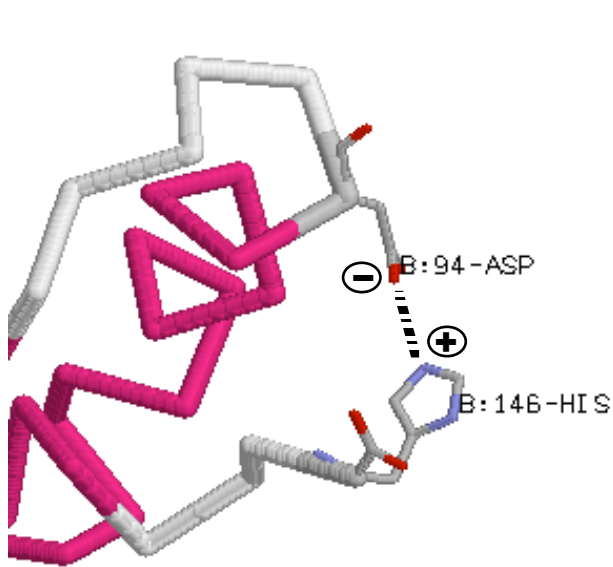


## El grupo hemo

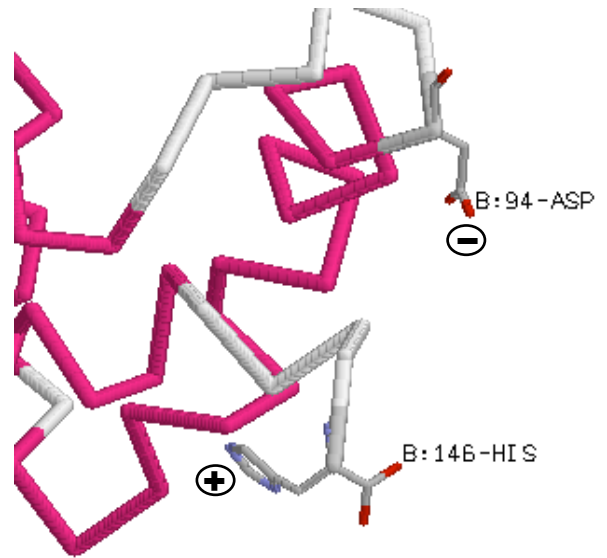




## Interacciones entre la His146 y la Asp94

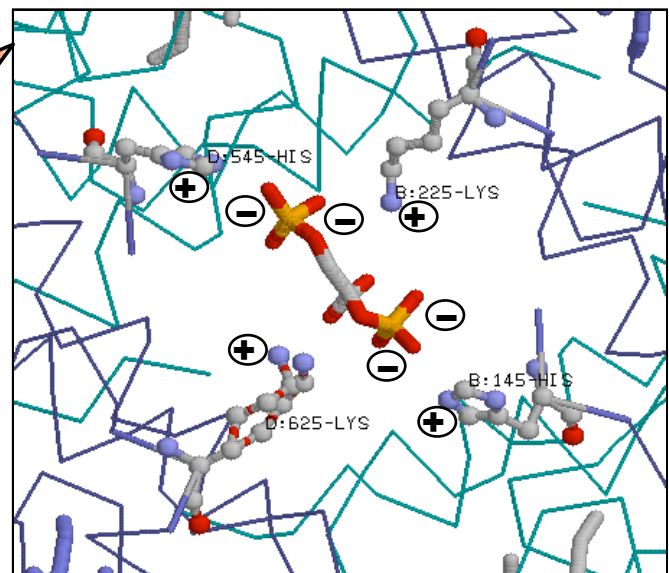
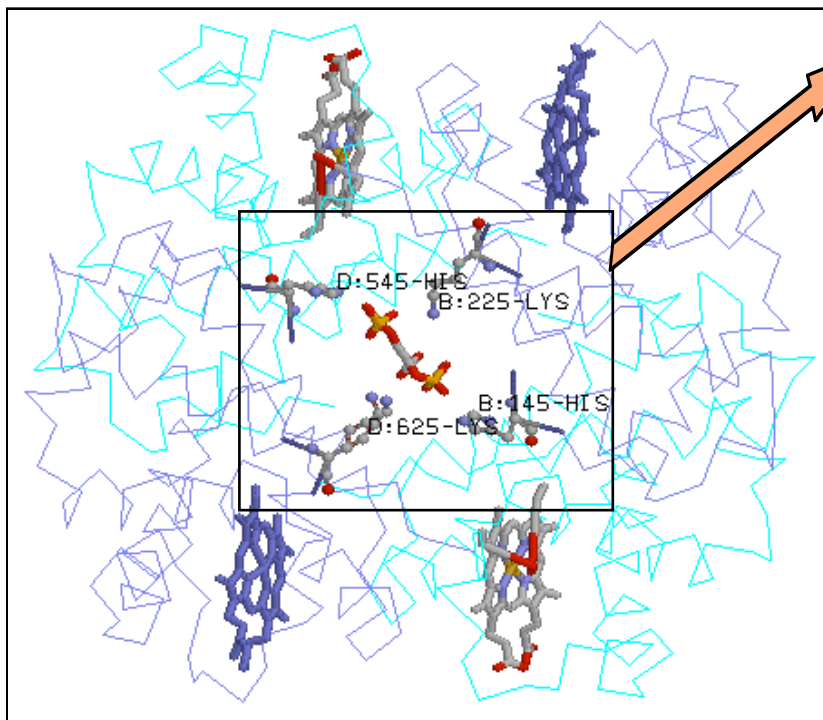


**Conformación T**



**Conformación R**

## Unión del 2,3-bisfosfoglicerato a la hemoglobina



# El plegamiento de la inmunoglobulina

